

Rok akademicki	Semestr	Opis realizowanych badań
<b>2019/2020</b>	1	Moduł Szkoły doktorskiej MCB / Solaris / JCeT rotacja laboratoryjna, projektowanie konstruktów ekspresyjnych dla różnych systemów ekspresyjnych (np. bakterii, komórek owadzych i komórek ssaczych), wstępne testy ekspresji i rozpuszczalności.
<b>2019/2020</b>	2	Kontynuacja optymalizacji konstruktów, iteracyjne rundy produkcji białka i przeprojektowanie konstruktów, optymalizacja protokołów oczyszczania na dużą skalę, ekspresja rozpuszczalnych celów na dużą skalę, wstępne próby krystalizacji.
<b>2020/2021</b>	1	Kontynuacja ekspresji białek, przeprojektowanie i optymalizacja konstruktów wiodących, charakterystyka biofizyczna białek (np. termostabilność, stan oligomeryczny), ilościowe testy interakcji między cząsteczkami efektorowymi i różnymi ligazami Cullin E3.
<b>2020/2021</b>	2	Kontynuacja ekspresji białek, próby (ko)krystalizacji konstruktów wiodących, zbieranie danych synchrotronowych i analizy danych, udoskonalanie struktury i budowanie modeli.
<b>2021/2022</b>	1	Tworzenie kompleksów między białkami wiodącymi i różnymi cząsteczkami efektorowymi, charakterystyka biofizyczna minimalnych kompleksów ligaza E3-efektor, próby krystalizacji, zbieranie danych i rozwiązywanie struktury krystalicznej otrzymanych kompleksów.
<b>2021/2022</b>	2	Kontynuacja rozwiązywania struktur i analiz strukturalnych, eksperymenty walidacji biochemicznej i biofizycznej z wykorzystaniem mutacji podyktowanych analizą strukturalną, optymalizacja struktur cząsteczek efektorowych, przełożenie wyników in vitro na linie komórkowe i modele chorób.
<b>2022/2023</b>	1	Kontynuacja określania struktury i analiz strukturalnych, optymalizacja struktur cząsteczek efektorowych, przełożenie wyników in vitro na dostępne systemy modeli chorób.
<b>2022/2023</b>	2	Kontynuacja analiz strukturalnych i tłumaczenie na systemy modelowe, przygotowanie rozprawy.